



小鼠Osteoprotegerin/TNFRSF11B双抗夹心ELISA检测试剂盒

请在实验前仔细阅读本说明书

产品货号： KE10058

规 格： 96T

灵敏度： 0.04 pg/mL

检测范围： 31.3-2000 pg/mL

用 途： 此试剂盒用于定量检测血清、血浆以及细胞上清中小鼠Osteoprotegerin/TNFRSF11B浓度

本产品仅用于科学研究，不适用于临床诊断

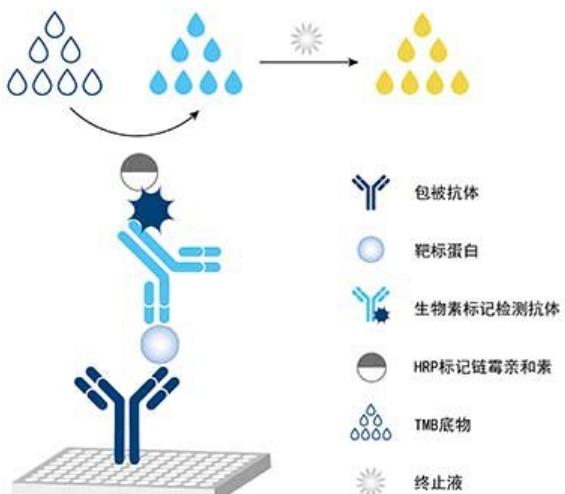
目录

一：背景信息	3
二：检测原理	3
三：需自备的实验器材	3
四：试剂盒组分及储存	4
五：实验注意事项	4
六：样本准备	4
七：试剂准备	5
八：实验步骤	6
九：实验参数	7
9.1 参考标曲图	7
9.2 精密度	7
9.3 加标回收率	8
9.4 样本值	8
9.5 灵敏度	8
9.6 线性	8
十：参考文献	9

一：背景信息

骨保护素 (OPG)，也称为TNFRSF11B或OCIF，是肿瘤坏死因子受体超家族 (TNFRSF) 的成员。它是一种分泌型糖蛋白，可抑制破骨细胞生成并参与骨密度的调节。骨保护素充当核因子κB配体 (RANKL) 受体激活剂的诱饵受体，并中和其在破骨细胞生成中的功能。骨保护素可作为肿瘤坏死因子 (TNF) 相关凋亡诱导配体 (TRAIL) 的可溶性诱饵受体，并抑制TRAIL诱导的细胞凋亡。TRAIL 阻断骨保护素介导的破骨细胞生成抑制。

二：检测原理



◀双抗夹心模式图 (检测抗体标记生物素)

按操作顺序形成抗体夹心结构后，加入TMB底物，板孔液体由无色变成蓝色，再加入终止液液体变为黄色后进行吸光度值测定。

三：需自备的实验器材

- 3.1 酶标仪 (可读取450 nm和630 nm双波长);
- 3.2 高精度移液器及一次性移液器枪头;
- 3.3 洗板机 (亦可手动洗板);
- 3.4 EP管 (用于稀释标准品及样本);
- 3.5 吸水毛巾或滤纸 (用于拍干);
- 3.6 烧杯和量筒;
- 3.7 用于ELISA实验的数据分析的统计拟合软件 (推荐四参数拟合方法)，如：Origin，ELISA Calc等。

四：试剂盒组分及储存

英文名称	中文名称	规格	数量
Microplate	预包被酶标板 - 96孔板	8孔 × 12条	1 块
Protein standard	标准品 - 冻干粉状 *	4000 pg/瓶	2 瓶
Detection antibody, biotinylated (100×)	生物素标记检测抗体浓缩液 (100×) **	120 μL/支	1 支
Streptavidin-horseradish peroxidase (HRP) (100×)	HRP标记链霉亲和素浓缩液 (100×) **	120 μL/支	1 支
Sample Diluent PT 5	样本稀释液 PT 5 (用于小鼠血清、血浆样本)	30 mL/瓶	1 瓶
Sample Diluent PT 1-ef	样本稀释液 PT 1-ef (用于细胞上清样本)	30 mL/瓶	1 瓶
Detection Diluent	抗体稀释液	30 mL/瓶	1 瓶
Wash Buffer Concentrate (20×)	浓缩洗涤液 (20×)	30 mL/瓶	1 瓶
Tetramethylbenzidine Substrate (TMB)	显色底物 TMB	12 mL/瓶	1 瓶
Stop Solution	终止液	12 mL/瓶	1 瓶
Plate Cover Seals	封板膜		4 张

储存条件：

- 1: 未开启试剂盒可在2-8°C条件下存放6个月或者在-20°C条件下存放1年
- 2: 已开启试剂盒可在2-8°C存放7天
- 3: 每次实验均使用新的标准品, 使用后丢弃

* 使用对应的样本稀释液对标准品进行复溶，复溶过程避免产生气泡

** 开盖前请离心

五：实验注意事项

- 5.1 避免皮肤接触终止液以及TMB 显色液；
- 5.2 在实验过程中，注意穿戴个人防护装备，如实验服，手套，口罩和护目镜；
- 5.3 请勿将不同批次的试剂进行混用，过期产品请勿使用；
- 5.4 在使用自动洗板机时，板孔加入洗涤液之后，设置30秒的浸泡程序，以提高分析的精确度。

六：样本准备

- 6.1 血清：全血标本室温凝固 30 min后1000×g 离心15 min，取上清立即使用或分装后-20°C存放，避免反复冻融。
- 6.2 血浆: 可用EDTA、肝素或柠檬酸盐作为抗凝剂, 标本采集后1000×g 离心15 min, 立即使用或分装后-20°C存放, 避免反复冻融
(注意：标本溶血会影响检测结果，因此溶血标本不宜进行检测)。
- 6.3 细胞上清: 收集细胞培养液, 500×g 离心5 min取上清，立即使用或分装后-20°C存放，避免反复冻融。

七：试剂准备

7.1 洗涤液 (1×) :

如果洗涤液 (20×) 有晶体析出，37°C加热至晶体全部溶解。按1:20稀释倍数进行稀释：如取30 mL 浓缩洗涤液 (20×)，加入570 mL 超纯水或去离子水，得到洗涤液 (1×)。

7.2 检测抗体 (1×) :

开盖前瞬时离心，按1:100比例进行稀释，稀释前根据预先计算实验所需的总量配制 (100 μL/孔)，实际配制时应多配制0.1-0.2 mL。如10 μL 检测抗体浓缩液 (100×) 加 990 μL 抗体稀释液进行配制，轻轻混匀。

7.3 HRP标记链霉亲和素 (1×) :

开盖前瞬时离心，按1:100比例进行稀释，稀释前根据预先计算实验所需的总量配制 (100 μL/孔)，实际配制时应多配制0.1-0.2 mL。如10 μL HRP标记的链霉亲和素浓缩液 (100×) 加 990 μL 抗体稀释液进行配制，轻轻混匀。

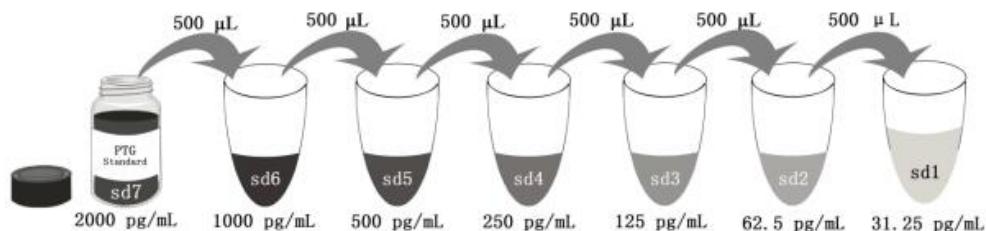
7.4 待检测样本：

不同的样本使用相应的样本稀释液进行稀释，如果样本检测值超过标曲最高范围，可将样本进行一定的稀释后再进行实验，使样本的检测值处于标曲范围内，不同样本的稀释倍数需自行优化。

稀释比推荐如下：小鼠血清、血浆以及细胞上清样本1:2或1:4稀释；样品采集、处理和储存的差异可能导致测值的改变。

7.5 梯度稀释的标准品：

检测小鼠血清、血浆样本，使用2 mL PT 5 样本稀释液复溶标准品。检测细胞上清样本，使用2 mL PT 1-ef 样本稀释液复溶标准品，具体操作如下：



Add # μL of Standard diluted in the previous step	—	500 μL					
# μL of Sample Diluent PT 5 or PT 1-ef	2000 μL	500 μL					
	"sd7"	"sd6"	"sd5"	"sd4"	"sd3"	"sd2"	"sd1"

八：实验步骤

实验前，需要将所需试剂在室温平衡20-30 min (检测抗体浓缩液、HRP标记链霉亲和素浓缩液不需要平衡室温，即用即取)；在进行标准品、样本以及不同试剂加样时，更换枪头，避免接触微孔板的内表面，不同的试剂，使用不同的加样槽。

8.1 根据实验用量，取出需要用到的酶标板条，剩余板条加入干燥剂放入铝箔袋密封后存放于4°C，并于一周之内用完；

8.2 加样，分别设零孔、标准孔、待测样本孔。零孔加样本稀释液100 μL, 余孔分别加梯度稀释的标准品或待测样本100 μL/孔，注意不要产生气泡（建议标准品和样本都做复孔，尽量避免实验误差，确保上样不间断，5-10 min完成加样）；

8.3 酶标板盖上覆膜，37°C孵育2 h；

8.4 洗涤

1) 揭开封板膜（动作轻柔，避免动作过大导致液体溢出串孔），弃液体，拍干；

2) 洗涤液 (1×) 洗涤板条，每孔350-400 μL, 洗涤后，甩掉液体拍干板条，重复此步骤4次，避免异物进入板孔以及板条干燥；

8.5 每孔加100 μL 检测抗体 (1×) (参照试剂准备部分7.2)，盖上封板膜，37°C孵育1 h；

8.6 重复步骤8.4；

8.7 每孔加 100 μL HRP标记链霉亲和素 (1×) (参照试剂准备部分7.3)，盖上封板膜，37°C孵育40 min；

8.8 重复步骤8.4；

8.9 显色:每孔加TMB显色液100 μL, 37°C避光显色 15-20 min (如果颜色偏浅，可适当延长显色时间，不超过30 min;保持显色底物始终处于避光状态，显色底物在加样前应是无色透明，如有变色，请勿使用)；

8.10 终止: 每孔加终止液100 μL, 蓝色变黄色。终止液与TMB显色液的加样顺序一致；（注意：眼睛和皮肤避免接触终止液）

8.11 读数:以630 nm为校正波长,用酶标仪在450 nm波长测量各孔的光密度(OD值)。加入终止液后5 min内进行读数,若无630 nm 波长，也可直接使用450 nm 波长读数；

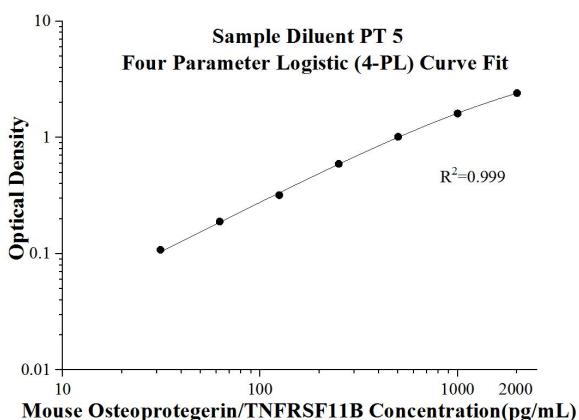
8.12 数据分析: 每个标准品和样本的OD值需减去零孔的OD值，设置复孔，取其平均值。以标准品的浓度为横坐标, OD 值为纵坐标，使用专业软件（如Origin、ELISACalc等）进行四参数拟合 (4-PL) ，根据样本的OD值由标准曲线推算出拟合浓度，乘以稀释倍数得到样本的实测浓度。

操作流程如下：

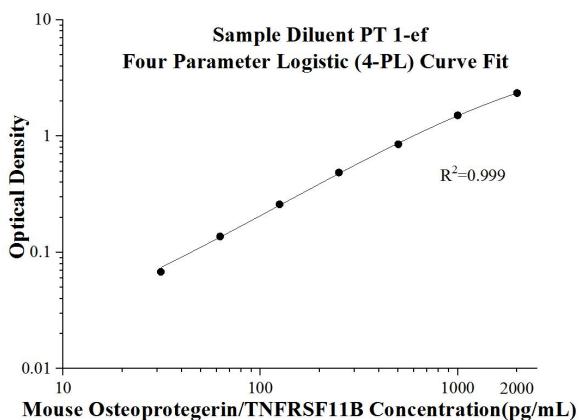
步骤	试剂	体积	孵育时间	洗涤次数	孵育温度
1	标准品或样本	100 μL	120 分钟	4 次	覆膜后37°C孵育
2	检测抗体 (1×)	100 μL	60 分钟	4 次	覆膜后37°C孵育
3	HRP标记链霉亲和素 (1×)	100 μL	40 分钟	4 次	覆膜后37°C孵育
4	显色 TMB	100 μL	15-20 分钟	不需要洗涤	覆膜后37°C孵育，避光
5	终止液	100 μL	0 分钟	不需要洗涤	-
6	加入终止液后以630 nm为校正波长，在450 nm处测量OD值，此过程建议不超过5分钟				

九：实验参数

9.1 参考标曲图



(pg/mL)	O.D	Average	Corrected
0	0.071 0.068	0.070	-
31.3	0.182 0.173	0.178	0.108
62.5	0.263 0.255	0.259	0.189
125	0.399 0.378	0.389	0.319
250	0.675 0.651	0.663	0.593
500	1.123 1.047	1.085	1.015
1000	1.695 1.662	1.679	1.609
2000	2.531 2.424	2.478	2.408



(pg/mL)	O.D	Average	Corrected
0	0.073 0.069	0.071	-
31.3	0.14 0.138	0.139	0.068
62.5	0.209 0.207	0.208	0.137
125	0.341 0.319	0.330	0.259
250	0.553 0.562	0.558	0.487
500	0.925 0.917	0.921	0.85
1000	1.591 1.567	1.579	1.508
2000	2.426 2.405	2.416	2.345

9.2 精密度

板内精密度：3个不同浓度的样本在板内重复测定 20次；

板间精密度：3个不同浓度的样本在板间重复测定 24次。

板内精密度 (CV内)				
样本	数量	平均值 (pg/mL)	标准差	变异系数CV%
1	20	48.0	1.7	3.5
2	20	207.5	4.9	2.3
3	20	859.6	25.6	3.0

板间精密度 (CV间)				
样本	数量	平均值 (pg/mL)	标准差	变异系数CV%
1	24	46.6	1.8	3.9
2	24	195.6	9.3	4.7
3	24	806.4	36.0	4.5

9.3 加标回收率

样本稀释后，在标曲范围内选择高、中、低3个浓度，进行小鼠Osteoprotegerin/TNFRSF11B的加标回收率实验，结果如下：

样本类型	稀释倍数	均值(%)	范围(%)
小鼠血清	1:8	97	73-122
	1:16	102	96-121
细胞上清	1:2	102	73-114
	1:4	95	80-106

9.4 样本值

小鼠血清 - 应用本试剂盒，检测16 个小鼠血清样本中小鼠 Osteoprotegerin/TNFRSF11B 的浓度。

样本类型	均值 (pg/mL)	范围 (pg/mL)
小鼠血清 (n=16)	2690.2	2066.4-3200.2

9.5 灵敏度

用20个重复的零孔平均OD值加上两倍标准差得到的OD值带入标准曲线拟合出对应的浓度值，此试剂盒中小鼠 Osteoprotegerin/TNFRSF11B的灵敏度为 0.04 pg/mL。

9.6 线性

细胞上清加入高浓度的小鼠Osteoprotegerin/TNFRSF11B蛋白，梯度稀释后检测样本加标线性，小鼠血清用对应样本稀释液稀释样本，使稀释后的检测值处于标曲范围内，线性数据如下：

稀释倍数		小鼠血清 (样本稀释液 PT 5)	细胞上清 (样本稀释液 PT 1-ef)
1:2	均值(%)	100	106
	范围 (%)	-	87-126
1:4	均值(%)	96	105
	范围 (%)	90-103	89-123
1:8	均值(%)	100	104
	范围 (%)	86-108	91-112
1:16	均值(%)	104	109
	范围 (%)	96-114	89-120

十：参考文献

1. Simonet WS, et al. Osteoprotegerin: a novel secreted protein involved in the regulation of bone density. *Cell*. 1997;89(2):309-319.
2. Emery JG, et al. Osteoprotegerin is a receptor for the cytotoxic ligand TRAIL. *J Biol Chem*. 1998;273(23):14363-14367.
3. Yasuda H, et al. Osteoclast differentiation factor is a ligand for osteoprotegerin/osteoclastogenesis-inhibitory factor and is identical to TRANCE/RANKL. *Proc Natl Acad Sci U S A*. 1998;95(7):3597-3602.